



# LATVIJAS NACIONĀLAIS AKREDITĀCIJAS BIROJS

Pielikums akreditācijas apliecībai

Reģistrācijas Nr. LATAK-M-633-00-2020

Akreditācijas lēmuma datums: 2020.10.14.

Akreditācijas periods: 2020.10.14.- 2025.10.13.

Akreditācijas standarts: LVS EN ISO 15189:2013

Akreditētā institūcija: Rīgas Stradiņa Universitātes Molekulārās ģenētikas zinātniskā laboratorija  
Adrese: Dzirciema iela 16, Rīga, LV-1007

Akreditācijas sfēra: no cilvēka iegūta materiāla molekulāri ģenētiska izmeklēšana

<b>Izmeklējumu joma</b>	<b>Izmeklējuma tehnoloģija, princips-metode/analizatora darbības princips</b>	<b>Izmeklējamais materiāls</b>	<b>Izmeklējums</b>	<b>Metodes identifikācija</b>
<b>1</b>	<b>2</b>	<b>3</b>	<b>4</b>	<b>5</b>
Molekulārā ģenētika	Polimerāzes ķēdes reakcija ar sekojošu amplifikācijas produkta vizualizāciju gela elektroforēzē	Genomisks DNS, izdalīts no perifērajām asinīm	Cistisko fibrozi biežāko izraisošo variantu dF508 un dele2,3 noteikšana <i>CFTR</i> gēnā	M-CFTR-01 (1)
			Ar vīriešu neauglību saistīto - Y mikrodelēciju AZFa AZFb un AZFc rajonos noteikšana	M-AZF-06 (1)
			Vilsona slimību biežākā izraisošā patogēnā varianta H1069Q noteikšana <i>ATP7B</i> gēnā	M-H1069Q-04 (1)
			Alfa 1 antitripsīna nepietiekamību biežāko izraisošo patogēno variantu PIZ un PIS noteikšana <i>SERPINA1</i> gēnā	M-A1AT-03 (1)
	Polimerāzes ķēdes reakcija ar sekojošu amplifikācijas produkta apstrādi ar restrikcijas endonukleāzēm un produktu vizualizāciju gela elektroforēzē	Genomisks DNS, izdalīts no perifērajām asinīm	Iedzimtu trombofiliju nosakošo patogēno variantu noteikšana	M-TROM-02 (1)
Primāras hemohromatozes biežāko izraisošo mutāciju noteikšana HFE gēnā	M-HFE-08 (1)			

1	2	3	4	5
	Reālā laika PCR reakcija, kas selektīvi pavairo patogēno variantu	Genomisks DNS, izdalīts no perifērajām asinīm	Mieloproliferatīvo neoplāziju izraisošā p.V617F varianta <i>JAK2</i> gēnā noteikšana	M-JAK2-05 (1)